



Plan Pluriformation Bioinformatique et Génomique

Mercredi 20 Novembre 2002

(9h - 17h30)

Bât 400 (IGM) Salle Angelos Kalogeropoulos

9h : Introduction (Christine Froidevaux)

9h10 : "Extraction de la terminologie d'un domaine de la biologie, Mathieu Roche (LRI)

9h30 : "CHM : Communication Humain-Molécules", Rachid Gherbi (LIMSI)

10h30 : "Etude des introns d'*Arabidopsis thaliana* à l'aide d'un modèle en 3D de l'ADN",
Claire Toffano (IBP)

11h10 : PAUSE

11h30 : "Evolution des génomes microbiens et histoire de leurs protéines : ne pas se laisser
submerger par le déluge de données", Bernard Labedan (IGM)

11h50 : "Séquences intergénomiques et outils de comparaison de séquences", Michel Termier (IGM)

12h10 : Présentation de projets par David Moreira (Unité d'Ecologie, Systématique et Evolution)

12h20 : "Alignement et phylogénie", Elisabeth Gassiat (Laboratoire de Mathématique)

12h40 - 14 h : REPAS

14h : "Séquencage de génomes aux LBMGE/EAN" Yvan Zivanovic (IGM)

14h20 : Présentation de projets par Marie Dutreix (Institut Curie)

14h30 : "Analyse, stockage et interrogation de données génomiques", Christine Froidevaux (LRI)

14h50 : "Modèles combinatoires et bioinformatiques pour l'analyse des séquences", Alain Denise (LRI)

15h10 : "Modélisation de l'interaction protéine/protéine", Joel Janin (LEBS)

15h30 : "Bioinformatique pour la génomique structurale", Anne Poupon (LEBS)

16h10 : PAUSE

16h30 : Discussion (Jean-Pierre Rousset)

Pour vos présentations, vous disposerez d'un *retroprojecteur* et d'un *videoprojecteur*. Pour ce dernier, vous pouvez venir avec soit un CD, soit une disquette ou un ZIP PC, soit votre portable.