

Journée Transcriptome et Protéome

9h00 9h05 *Introduction de la Journée*

Session Transcriptome

9h05 10h15 **Stéphane ROBIN** OMIP, INA-PG / BIA, INRA, Jouy
"Méthodes et modèles statistiques pour l'analyse des données de transcriptome"

10h15 10h40 **Marie DUTREIX** Curie, Orsay
Identification des cibles moléculaires de drogues et traitements : chasser l'information dans la jungle des données de biopuces

10h40 10h55 **Christine FROIDEVAUX** Bioinformatique, LRI, Orsay
Analyse de données de transcriptome avec BioRelief

10h55 11h15 **Hervé DELACROIX** Equipe de Bioinformatique, CGM, Gif
Présentation de la plate-forme puces à ADN Gif/Orsay

11h15 11h30 _____ *Pause-café* _____

11h30 12h30 possibilité d'assister au séminaire de l'IGM (dans la même salle) :
Eduardo ROCHA Atelier de Bioinformatique, Institut Pasteur
Ordre et désordre dans les génomes bactériens

11h30 14h00 _____ *Déjeuner libre* _____

Session Protéome

14h00 15h10 **Pierre LEGRAIN** Sciences du vivant, CEA, Saclay
Double-Hybride à grande échelle pour des études protéomiques

15h10 15h40 **Joël JANIN** Enzymologie Structurale, LEBS, Gif
Caractéristiques structurales des interactions protéine-protéine spécifiques et non spécifiques

15h40 16h00 _____ *Pause-café* _____

16h00 16h30 **Herman VAN TILBEURGH** Génomique Structurale de la Levure, LEBS
Une vue en 3D de notre protéome : fiction ou réalité ?

16h30 17h00 **Michel ZIVY** Station de Génétique Végétale, INRA, Moulon
Protéomique fonctionnelle: analyse d'expression des protéines et identification par spectrométrie de masse